

## KOKKUVÕTE

Käesoleva töö esimeseks eesmärgiks oli miRNA analoogidega transfekteeeritud KGN rakuliini rakkudest reaalaaja-PCR abil hsa-miR-548ba ja hsa-miR-7973 sihtmärkgeenide geeniekspressiooni muutuse valideerimine. Tulemustest selgus, et geenikiibi ja bioinformaatilise ennustuse põhjal valitud kolmest geenist said RT-PCR käigus kinnitust hsa-miR-548ba sihtmärgina *LIFR* ning hsa-miR-7973 sihtmärkidena *ADAM19* ning *TGF $\beta$ R2*. *TGF $\beta$ R2* oli ennustatud sihtmärgiks ka hsa-miR-548ba-le, kuid see RT-PCR käigus statistiliselt olulist tulemust ei saanud.

Töö teiseks eesmärgiks oli hsa-miR-548ba ja hsa-miR-7973 sihtmärkide tuvastamine lutsiferaasi katse abil. Selleks kasutati inimese granuloosa rakuliini KGN, kuhu transfekteeeriti uuritava geeni 3'UTR järjestust ja lutsiferaasi katse reporter-geeni sisaldav vektor. Tulemustest selgus, et lutsiferaasi katseabiltuvastati hsa-miR-548ba sihtmärk *LIFR* ning hsa-miR-7973 sihtmärk *ADAM19*. Mõlema miRNA sihtmärgiks ennustatud *TGF $\beta$ R2* ei saanud lutsiferaasi katses ühelgi tingimusel statistiliselt olulist tulemust.

