

Inimese B-rakulisi epitoope jäljendavate mimotoopide selekteerimise töövoog

Lühikokkuvõte

Autor: Karl Märka

Juhendajad: Lagle Kasak, Kaia Palm, Anri Kivil, Arno Pihlak

Instituut: Geenitehnoloogia Instituut

Bakalaureusetöö eesmärgiks oli koostada töövoog eelnevalt struktureeritud andmebaasist patogeeni-seoseliste mimotoopide leidmiseks ning leitud mimotoopide immunogeensuse kontrollimine praktiliste meetoditega. Töövoogu katsetati mitmete erinevate patogeenide – inimese tsütomegaloviiruse, *Helicobacter pylori* ja Epstein-Barr viiruse mimotoopide leidmisel. Töövoog tulemuste illustreerimiseks kasutati antud töös tsütomegaloviiruse immuunvastuse analüüsimisel saadud tulemusi.

Töövoog abil leiti viis tsütomegaloviiruse mimotoopi ning annoteeriti need kahele erinevale viiruse valgule. Mimotoopide immunogeensust kontrolliti immunovalideerimise (immunoanalüüs) meetodiga.

Kokkuvõtvalt võimaldab meetoodika:

- 1) Suurest hulgast lähteandmetest leida populatsiooniülesest mimotoobiprofiilidest huvipakkuva pato- või muu antigeeni-seoselisi peptiidiklastreid ja neile vastavaid konsensusjärjestusi.
- 2) Ennustatud mimotoope väga hea korrelatsiooniga realselt käituvat immunogeenina kinnitada, mis sisuliselt annab võimaluse töövoog erinevateks rakendusteks. Antud juhul kliinilises diagnostikas.